



Progetto “SOSTENIBILE, SICURO, DI ALTA QUALITA’ “ presentato all’AquaFarm 2019 di Pordenone.



Sostenibile, sicuro, di alta qualità: un progetto integrato di ricerca industriale per l’innovazione della filiera molluscolica del Veneto



Massimo Milan¹, Morgan Smits², Giulia Dalla Rovere³, Luca Fasolato³, Barbara Cardazzo³, Angela Zampieri¹, Giuseppe Arcangelii⁴, Elena Ramon², Antonia Anna Lettini⁵, Luciano Boffo³, Aurelio Zentilin⁶, Emauele Rossetti⁵, Francesco Paesanti⁵, Alessandra Merlante⁷, Massimo Barbin⁸, Barbara Simonati⁹, Eleonora Sattin⁹, Angelo De Bortoli¹⁰, Luca Bargelloni¹

- ¹ Dipartimento di Biomedicina Comparata e Alimentazione, Università di Padova
- ² Istituto Zooprofilattico Sperimentale delle Venezie
- ³ C.I.A.M. SOC.COOP., C.R.A.M.E. Chioggia, Consorzio Cooperative Pescatori del Polesine Organizzazione di Produttori Soc. Coop.
- ⁴ ALMAR Soc. Coop. Agricola a R.L.
- ⁵ Consorzio Cooperative Pescatori del Polesine Organizzazione di Produttori Soc. Coop.
- ⁶ Finesca Srl
- ⁷ Consorzio Distretto Ittico di Rovigo e Chioggia
- ⁸ Confindustria Venezia
- ⁹ BMR genomics
- ¹⁰ Expertem Srl

Il progetto ambisce ad innovare le fasi di produzione e trasformazione mediante attività di ricerca industriale e sviluppo sperimentale volte a incrementare la sostenibilità, la qualità e la sicurezza del prodotto.

Sviluppo/ottimizzazione di sistemi di depurazione per l’eliminazione di virus enterici

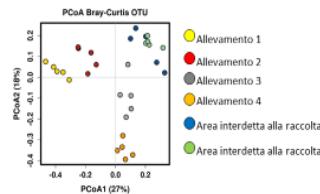
- I genogruppi GI e GII di Norovirus sono responsabili della maggioranza dei casi clinici umani e la trasmissione può avvenire attraverso il consumo di molluschi contaminati
- Sviluppo di un impianto di depurazione sperimentale con utilizzo di ozono e analisi di epatopancreas mediante la norma UNI EN ISO15216-1 per la quantificazione di Norovirus prima e durante il processo di depurazione.



- I campioni analizzati suggeriscono l’efficacia dell’impianto di depurazione nel ridurre le contaminazioni virali

Sviluppo di metodi innovativi per garantire la tracciabilità del prodotto

- Analisi e caratterizzazione del microbiota di animali provenienti da diverse aree di allevamento, e da aree interdette alla raccolta per inquinamento chimico (es. Fusina)
- Identificazione di specifici profili di comunità microbiche per ciascun sito indagato



- Nuove prospettive ad imprese/industrie alimentari interessate alla certificazione dei propri prodotti.
- Garantire la salubrità e l’origine del prodotto al consumatore

Miglioramento genetico di vongole filippine *Ruditapes philippinarum*

- Sequenziamento del genoma di 160 animali provenienti da diverse popolazioni
- Identificazione di 800 polimorfismi genetici utilizzabili come potenziali marcatori per la selezione genetica



- Miglioramento delle performance di crescita e della resistenza a patologie e infezioni (es. *Perkinsus* spp., *Vibrio* spp.)

